

sequences listing.txt

SEQUENCES LISTING

<110> BioMérieux

<120> Method for the detection and/or identification of hte original animal species in animal matter contained in a sample.

<130> B05B3851WO/ANIFRAUD

<160> 276

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 18

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 1
ctcctactgg ctatgcac

18

<210> 2

<211> 19

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 2
gtaatcctac tgctcactc

19

<210> 3

<211> 38

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 3
ttcggatctc tgctcgccat ctgcctggcc acacaaat

38

<210> 4

sequences listing.txt

<211> 24

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 4

gacacatccc ttgcttttctc ctca

24

<210> 5

<211> 33

<212> DNA

<213> Anser anser

<400> 5

ctcccttcta gccatctgct tagccacaca aat

33

<210> 6

<211> 21

<212> DNA

<213> Anser anser

<400> 6

ccgcagacac ttcactcgcc t

21

<210> 7

<211> 25

<212> DNA

<213> Anser anser

<400> 7

caacggtgct tcgctcttct ttatc

25

<210> 8

<211> 18

<212> DNA

<213> Anser anser

sequences listing.txt

<400> 8
cacttcactc gccttctc 18

<210> 9
<211> 16
<212> DNA
<213> Cairina moschata

<400> 9
aacctgcacg ccaatg 16

<210> 10
<211> 35
<212> DNA
<213> Cairina moschata

<400> 10
gggtccctcc tcgccatttg cctgggcacc caaat 35

<210> 11
<211> 17
<212> DNA
<213> Cairina moschata

<400> 11
gtcctgccat ggggaca 17

<210> 12
<211> 22
<212> DNA
<213> Cairina moschata

<400> 12
ctcctactcg ccctcatggc aa 22

<210> 13

sequences listing.txt

<211> 20

<212> DNA

<213> Cairina moschata

<400> 13

atccgcaacc tgcacgccaa

20

<210> 14

<211> 24

<212> DNA

<213> Cairina moschata

<400> 14

tcctcagtgg ctaacacatg tcga

24

<210> 15

<211> 17

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 15

cgagacgtca attatgg

17

<210> 16

<211> 17

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 16

atctgcttat ttataca

17

<210> 17

<211> 17

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

sequences listing.txt

<400> 17
tcctctgtta ctcacat 17

<210> 18
<211> 17
<212> DNA
<213> Rangifer tarandus

<400> 18
tcctcttatt tacagta 17

<210> 19
<211> 27
<212> DNA
<213> Rangifer tarandus

<400> 19
aatattggag tgatcctctt atttaca 27

<210> 20
<211> 17
<212> DNA
<213> Columba palumbus

<400> 20
acacaggagt cgtcctc 17

<210> 21
<211> 16
<212> DNA
<213> Columba palumbus

<400> 21
ttgctaactc aaatcc 16

<210> 22

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> Columba palumbus

<400> 22

acccttatag ccactgc

17

<210> 23

<211> 23

<212> DNA

<213> Columba palumbus

<400> 23

ggcttactac tcgccgcaca tta

23

<210> 24

<211> 17

<212> DNA

<213> Columba palumbus

<400> 24

ctaaccggct tactact

17

<210> 25

<211> 23

<212> DNA

<213> Columba palumbus

<400> 25

ggcatttgct tgctaactca aat

23

<210> 26

<211> 19

<212> DNA

<213> Acipenser baerii

sequences listing.txt

<400> 26 ctcactcata ggcctctgc	19
<210> 27	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Acipenser baerii	
<400> 27 tggctcactc ataggcc	17
<210> 28	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Coturnix coturnix	
<400> 28 ctgcttctca cactaat	17
<210> 29	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Coturnix coturnix	
<400> 29 tcaccggcct tctact	16
<210> 30	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Coturnix coturnix	
<400> 30 tagcaatatg cctcat	16
<210> 31	

sequences listing.txt

<211> 21

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 31

cttcggatcg cttcttggcc t

21

<210> 32

<211> 24

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 32

ctccttcttt tggatcatgat aact

24

<210> 33

<211> 20

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 33

gggagagggc tctattatgg

20

<210> 34

<211> 17

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 34

attgggagag ggctcta

17

<210> 35

<211> 20

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

sequences listing.txt

<400> 35
gttgctctcc ttcttttggt 20

<210> 36

<211> 16

<212> DNA

<213> sardina pilchardus

<400> 36
atggagcatc tttttt 16

<210> 37

<211> 17

<212> DNA

<213> sardina pilchardus

<400> 37
ttggttatgt cttaccg 17

<210> 38

<211> 48

<212> DNA

<213> sardina pilchardus

<400> 38
tggcctctgt ctagcggccc agattctgac agggttgttc ttagccat 48

<210> 39

<211> 21

<212> DNA

<213> sardina pilchardus

<400> 39
tgattcgaag tatgcacgca a 21

<210> 40

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> *Sardina pilchardus*

<400> 40

tttgtattta cgccccac

17

<210> 41

<211> 19

<212> DNA

<213> *Sardina pilchardus*

<400> 41

cctctgacat cgcaaccgc

19

<210> 42

<211> 19

<212> DNA

<213> *Anguilla anguilla*

<400> 42

atacctttac atagaaaca

19

<210> 43

<211> 16

<212> DNA

<213> *Gallus gallus*

<400> 43

gtgggctatg ttctcc

16

<210> 44

<211> 18

<212> DNA

<213> *Gallus gallus*

sequences listing.txt

<400> 44
tccctattag cagtctgc 18

<210> 45

<211> 19

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 45
tcatccggaa tctccacgc 19

<210> 46

<211> 21

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 46
catctgtatc ttccttcaca t 21

<210> 47

<211> 23

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 47
gtagcccaca cttgccggaa cgt 23

<210> 48

<211> 17

<212> DNA

<213> scomber japonicus

<400> 48
ggacttttcc tcgcaat 17

<210> 49

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> scomber japonicus

<400> 49

tgccctaattt ctcaaattct cac

23

<210> 50

<211> 20

<212> DNA

<213> scomber japonicus

<400> 50

ttcggctcac tgcttggtct

20

<210> 51

<211> 20

<212> DNA

<213> scomber japonicus

<400> 51

cactacaccc ccgatgttga

20

<210> 52

<211> 25

<212> DNA

<213> scomber japonicus

<400> 52

tcctaccttt tcatggaaac atgaa

25

<210> 53

<211> 36

<212> DNA

<213> scomber japonicus

sequences listing.txt

<400> 53
acccccgatg ttgagtcagc attcgactca gtcgcc 36

<210> 54
<211> 18
<212> DNA
<213> Anguilla japonica

<400> 54
tatggatgat tcatccga 18

<210> 55
<211> 21
<212> DNA
<213> Anguilla japonica

<400> 55
gatgattcat ccgaaattta c 21

<210> 56
<211> 17
<212> DNA
<213> Anguilla japonica

<400> 56
ataataactg cattcgt 17

<210> 57
<211> 19
<212> DNA
<213> Meleagris gallopavo

<400> 57
tattatgggtt cgtacctat 19

<210> 58

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 58

aacctccatg cgaatgg

17

<210> 59

<211> 26

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 59

gcagacacca ctcttgcatt ctcttc

26

<210> 60

<211> 27

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 60

ttctcttctg tggcctacac atgccga

27

<210> 61

<211> 17

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 61

tgccatcatca ctcaaatt

17

<210> 62

<211> 18

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

sequences listing.txt

<400> 62		
cttaaccggc ctcctact		18
<210> 63		
<211> 28		
<212> DNA		
<213> Meleagris gallopavo		
<400> 63		
caggagtagt cttacttctc accctcat		28
<210> 64		
<211> 18		
<212> DNA		
<213> Meleagris gallopavo		
<400> 64		
ctcatcactc aaatctta		18
<210> 65		
<211> 16		
<212> DNA		
<213> Scomber scombrus		
<400> 65		
ctcctcgtaa tgatga		16
<210> 66		
<211> 17		
<212> DNA		
<213> Scomber scombrus		
<400> 66		
ttccttgcaa tgcacta		17
<210> 67		

sequences listing.txt

<211> 19

<212> DNA

<213> Scomber scombrus

<400> 67

atgaaacgtc ggtgtagtc

19

<210> 68

<211> 17

<212> DNA

<213> Scomber scombrus

<400> 68

ggtgtagtcc tcctcct

17

<210> 69

<211> 19

<212> DNA

<213> Scomber scombrus

<400> 69

tcatccgcaa catgcacgc

19

<210> 70

<211> 33

<212> DNA

<213> Scomber scombrus

<400> 70

tacacgcccg acgtcgaatc agcattcaac tca

33

<210> 71

<211> 17

<212> DNA

<213> Scomber scombrus

sequences listing.txt

<400> 71
ggttccctgc ttggtct

17

<210> 72

<211> 17

<212> DNA

<213> Anguilla mossambica

<400> 72
aatggagctt ctttctt

17

<210> 73

<211> 26

<212> DNA

<213> Anguilla mossambica

<400> 73
ggactatgtc ttatctctca aatcct

26

<210> 74

<211> 20

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 74
tatccgctat atgcacgcaa

20

<210> 75

<211> 21

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 75
ggagtatgct tgattctaca g

21

<210> 76

sequences listing.txt

<211> 18

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 76

cggatcctat gtattcat

18

<210> 77

<211> 24

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 77

acattggaat tgtactatta ttcg

24

<210> 78

<211> 16

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 78

actattattc gcaacc

16

<210> 79

<211> 16

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 79

attatccgct atatgc

16

<210> 80

<211> 16

<212> DNA

<213> Canis familiaris

sequences listing.txt

<400> 80
caggttttatt cttagc

16

<210> 81

<211> 16

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 81
gcaaccatag ccacag

16

<210> 82

<211> 18

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 82
aaatggcgct tccatatt

18

<210> 83

<211> 16

<212> DNA

<213> Canis familiaris

<400> 83
taggagtatg cttgat

16

<210> 84

<211> 16

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 84
gacccaaatt atcacc

16

<210> 85

sequences listing.txt

<211> 19

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 85

atccctccta gcagtctgc

19

<210> 86

<211> 16

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 86

atgacccaaa ttatca

16

<210> 87

<211> 18

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 87

tgtcgaaatg tccaatac

18

<210> 88

<211> 18

<212> DNA

<213> Equus asinus

<400> 88

agacactaca actgcctt

18

<210> 89

<211> 16

<212> DNA

<213> Equus asinus

sequences listing.txt

<400> 89
gctcctacac attcct 16

<210> 90

<211> 17

<212> DNA

<213> Equus asinus

<400> 90
atcagacact acaactg 17

<210> 91

<211> 18

<212> DNA

<213> Equus asinus

<400> 91
tgcctcttta tccacgta 18

<210> 92

<211> 16

<212> DNA

<213> Auxis thazard

<400> 92
ttggcgtagt tcttct 16

<210> 93

<211> 29

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 93
cagatgaatt atccaccatc tccatgcta 29

<210> 94

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 94

atgtgaacta cagatgaatt atc

23

<210> 95

<211> 25

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 95

ttctcctatt tcttcagta atagc

25

<210> 96

<211> 23

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 96

tcctagctat atactacaca tca

23

<210> 97

<211> 25

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 97

gaaatattgg gattctccta tttct

25

<210> 98

<211> 18

<212> DNA

<213> Equus caballus

sequences listing.txt

<400> 98
gccttctttg gttccctc 18

<210> 99

<211> 22

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 99
tctcatctgt tatacacatc tg 22

<210> 100

<211> 23

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 100
tcacgtagga caaggccttt act 23

<210> 101

<211> 23

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 101
gcctttacta cagctcctac acc 23

<210> 102

<211> 21

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 102
cttttggttcc cacctaggaa t 21

<210> 103

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 103

tcccacctag gaatct

16

<210> 104

<211> 19

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 104

tgccctcttta ttcacgtag

19

<210> 105

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 105

attggtgtag tacttct

17

<210> 106

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 106

tttgcattta ctcacac

17

<210> 107

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

sequences listing.txt

<400> 107
ggcctgttcc tcgcaat 17

<210> 108

<211> 16

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 108
gcatttactc acacat 16

<210> 109

<211> 17

<212> DNA

<213> xiphias gladius

<400> 109
tatgtattac cctgagg 17

<210> 110

<211> 30

<212> DNA

<213> xiphias gladius

<400> 110
gacatcgcgga cggcctttac atccgtagca 30

<210> 111

<211> 16

<212> DNA

<213> xiphias gladius

<400> 111
ccctcctcgg cctctg 16

<210> 112

sequences listing.txt

<211> 21

<212> DNA

<213> Xiphias gladius

<400> 112
ggcctgtttc tcgctataca c

21

<210> 113

<211> 29

<212> DNA

<213> Xiphias gladius

<400> 113
tctgttttagc tgcccaagtc ctcacaggc

29

<210> 114

<211> 17

<212> DNA

<213> Xiphias gladius

<400> 114
ctcggcctct gttagc

17

<210> 115

<211> 17

<212> DNA

<213> Xiphias gladius

<400> 115
tcctatctat acaaaga

17

<210> 116

<211> 19

<212> DNA

<213> Xiphias gladius

sequences listing.txt

<400> 116
catcagacat cgcgacggc 19

<210> 117

<211> 16

<212> DNA

<213> Gadus morhua

<400> 117
tgactaattc ggaata 16

<210> 118

<211> 20

<212> DNA

<213> Gadus morhua

<400> 118
catgctaata gtgcctcttt 20

<210> 119

<211> 17

<212> DNA

<213> Gadus morhua

<400> 119
ggttcctatc tttttgt 17

<210> 120

<211> 17

<212> DNA

<213> Phasianus colchicus

<400> 120
aaacactgga gtcgtcc 17

<210> 121

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> Phasianus colchicus

<400> 121

gaaatgtgca gtacgg

16

<210> 122

<211> 20

<212> DNA

<213> Phasianus colchicus

<400> 122

ggttcctgc tagcagtatg

20

<210> 123

<211> 18

<212> DNA

<213> Phasianus colchicus

<400> 123

actggcctcc tattagcc

18

<210> 124

<211> 17

<212> DNA

<213> Phasianus colchicus

<400> 124

tgccattatta ctcaaatt

17

<210> 125

<211> 18

<212> DNA

<213> Phasianus colchicus

sequences listing.txt

<400> 125
tgtcgaaatg tgcagtac

18

<210> 126

<211> 17

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 126
accggcggtta tcctcct

17

<210> 127

<211> 20

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 127
tgaaacaccg gcgttatcct

20

<210> 128

<211> 18

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 128
ttttggatcg ctactagg

18

<210> 129

<211> 24

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 129
cagtacggat gatttatccg caat

24

<210> 130

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 130

cacacatgcc ggaacgt

17

<210> 131

<211> 23

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 131

tcctactaac attaatagca act

23

<210> 132

<211> 16

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 132

aattttggat cgctac

16

<210> 133

<211> 20

<212> DNA

<213> Struthio camelus

<400> 133

ctaacagggc tcctactagc

20

<210> 134

<211> 16

<212> DNA

<213> Struthio camelus

sequences listing.txt

<400> 134 cacagccgac actaca	16
<210> 135	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> Felis catus	
<400> 135 ctgtcgcgac gttaatta	18
<210> 136	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> Felis catus	
<400> 136 cctacacctt ctcagagaca tga	23
<210> 137	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Felis catus	
<400> 137 tatctgcctg tacatacatg t	21
<210> 138	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Felis catus	
<400> 138 attggaatca tactatt	17
<210> 139	

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> Felis catus

<400> 139

acagctttta tgggatacgt cct

23

<210> 140

<211> 25

<212> DNA

<213> Felis catus

<400> 140

caccggcctc tttttggcca tacac

25

<210> 141

<211> 25

<212> DNA

<213> Felis catus

<400> 141

ggaatcatac tattattttac agtca

25

<210> 142

<211> 22

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 142

accagacgcc tcaaccgcct tt

22

<210> 143

<211> 23

<212> DNA

<213> Homo sapiens

sequences listing.txt

<400> 143
tcctcctgct tgcaactata gca 23

<210> 144

<211> 33

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 144
ctcactcctt ggcgcctgcc tgatcctcca aat 33

<210> 145

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 145
tccaaatcac cacaggacta 20

<210> 146

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 146
atcgcccaca tcactcgaga 20

<210> 147

<211> 17

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 147
ctcaccagac gcctcaa 17

<210> 148

sequences listing.txt

<211> 29

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 148

ttacggatca tttctctact cagaaacct

29

<210> 149

<211> 18

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 149

atctgcctct tcctacac

18

<210> 150

<211> 16

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 150

ccatgcacta ctcacc

16

<210> 151

<211> 17

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 151

tcctccaaat caccaca

17

<210> 152

<211> 17

<212> DNA

<213> Gadus ogac

sequences listing.txt

<400> 152
catgctaacg gtgcctc

17

<210> 153

<211> 20

<212> DNA

<213> Gadus ogac

<400> 153
tttttatttg tctctatata

20

<210> 154

<211> 19

<212> DNA

<213> Gadus ogac

<400> 154
tttgtctcta tatacatat

19

<210> 155

<211> 18

<212> DNA

<213> Bison bison

<400> 155
cttctactta cagtaata

18

<210> 156

<211> 18

<212> DNA

<213> Bison bison

<400> 156
cgggtcttat accttcct

18

<210> 157

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> *Lepus europaeus*

<400> 157

tcctaactgg cttattt

17

<210> 158

<211> 23

<212> DNA

<213> *Lepus europaeus*

<400> 158

ggctctctat tgggattatg cct

23

<210> 159

<211> 18

<212> DNA

<213> *Lepus europaeus*

<400> 159

aataatccag atcctaac

18

<210> 160

<211> 16

<212> DNA

<213> *Lepus europaeus*

<400> 160

ctaataatcc agatcc

16

<210> 161

<211> 22

<212> DNA

<213> *Lepus europaeus*

sequences listing.txt

<400> 161
gactcattcg ttacttacac gc 22

<210> 162

<211> 26

<212> DNA

<213> Euthynnus pelamis

<400> 162
tatacccctg acgtagaatc agcctt 26

<210> 163

<211> 19

<212> DNA

<213> Euthynnus pelamis

<400> 163
atttactccc atattggcc 19

<210> 164

<211> 18

<212> DNA

<213> Euthynnus pelamis

<400> 164
ctgcatttac tcccatat 18

<210> 165

<211> 16

<212> DNA

<213> Macropus giganteus

<400> 165
attctttata tgccta 16

<210> 166

sequences listing.txt

<211> 16
<212> DNA
<213> Macropus giganteus

<400> 166
tctttatatg cctatt 16

<210> 167
<211> 16
<212> DNA
<213> Macropus giganteus

<400> 167
ctttggctcg ctacta 16

<210> 168
<211> 16
<212> DNA
<213> Macropus giganteus

<400> 168
ttggctcgct actagg 16

<210> 169
<211> 16
<212> DNA
<213> Macropus giganteus

<400> 169
atattcttta tatgcc 16

<210> 170
<211> 20
<212> DNA
<213> Merluccius merluccius

sequences listing.txt

<400> 170		
ctatttctag cgatacatta		20
<210> 171		
<211> 23		
<212> DNA		
<213> Merluccius merluccius		
<400> 171		
tcctacttat tcatagagac ctg		23
<210> 172		
<211> 17		
<212> DNA		
<213> Merluccius merluccius		
<400> 172		
aacggcgctt ctttctt		17
<210> 173		
<211> 24		
<212> DNA		
<213> Merluccius merluccius		
<400> 173		
aggcctctgc ttagccgccc aaat		24
<210> 174		
<211> 22		
<212> DNA		
<213> Merluccius merluccius		
<400> 174		
ctcatccgtc gtacacatct gc		22
<210> 175		

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> Merluccius merluccius

<400> 175

ggagttgtac tattcctttt agt

23

<210> 176

<211> 19

<212> DNA

<213> Merluccius merluccius

<400> 176

ttagccgccc aaatcttaa

19

<210> 177

<211> 34

<212> DNA

<213> Merluccius merluccius

<400> 177

cattataccg caaacgtcga gatagctttc tcat

34

<210> 178

<211> 16

<212> DNA

<213> Bos taurus

<400> 178

tcaatgtttt ttatct

16

<210> 179

<211> 17

<212> DNA

<213> Bos taurus

sequences listing.txt

<400> 179
tcctctgtta cccatat 17

<210> 180

<211> 24

<212> DNA

<213> Bos taurus

<400> 180
gtaatccttc tgctcacagt aata 24

<210> 181

<211> 17

<212> DNA

<213> Macropus rufus

<400> 181
ggctcatatc tctacaa 17

<210> 182

<211> 17

<212> DNA

<213> Macropus rufus

<400> 182
aggagcctgc ttaatta 17

<210> 183

<211> 16

<212> DNA

<213> Macropus rufus

<400> 183
gattgatccg caatct 16

<210> 184

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> Macropus rufus

<400> 184

tacggctgat tgatcc

16

<210> 185

<211> 16

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 185

gtttgccaca tctgcc

16

<210> 186

<211> 17

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 186

ctatgttttag ctaccca

17

<210> 187

<211> 20

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 187

tatacctccg acatttcaac

20

<210> 188

<211> 16

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

sequences listing.txt

<400> 188
cctggaatat cggagt 16

<210> 189

<211> 16

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 189
tcattcgaaa catcca 16

<210> 190

<211> 19

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 190
ttgtactttt acttctcac 19

<210> 191

<211> 16

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 191
gctcgtagct ctacaa 16

<210> 192

<211> 17

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 192
gagttgtact tttactt 17

sequences listing.txt

<210> 193

<211> 20

<212> DNA

<213> Oncorhynchus mykiss

<400> 193

cgagatgtta gttacggctg

20

<210> 194

<211> 18

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 194

gtacttctac tggtcgca

18

<210> 195

<211> 16

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 195

caggtctttt cttagc

16

<210> 196

<211> 17

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 196

tttgggtccc ttctagg

17

<210> 197

<211> 21

<212> DNA

<213> Mus musculus

sequences listing.txt

<400> 197
gtctgcctaa tagtccaaat c 21

<210> 198

<211> 21

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 198
atcattacag gtcttttctt a 21

<210> 199

<211> 17

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 199
ttccttcatg tcggacg 17

<210> 200

<211> 18

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 200
taatagtcca aatcatta 18

<210> 201

<211> 16

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 201
attggagtac ttctac 16

sequences listing.txt

<210> 202
 <211> 16
 <212> DNA
 <213> Salmo salar

<400> 202
 gagttgtact tctact

16

<210> 203
 <211> 17
 <212> DNA
 <213> Salmo salar

<400> 203
 taggcctatg tctagcc

17

<210> 204
 <211> 18
 <212> DNA
 <213> Salmo salar

<400> 204
 gatgtagct atggctga

18

<210> 205
 <211> 16
 <212> DNA
 <213> Salmo salar

<400> 205
 tacttctact tctcac
 <210> 206

16

<211> 20
 <212> DNA
 <213> Salmo salar

sequences listing.txt

<400> 206
ctcatccgta acattcacgc 20

<210> 207

<211> 16

<212> DNA

<213> Capra hircus

<400> 207
tattcataca tatcgg 16

<210> 208

<211> 19

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 208
taggcctgtg ccttataat 19

<210> 209

<211> 16

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 209
attcaaattt tcactg 16

<210> 210

<211> 18

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 210
tctctactag gcctgtgc 18

<210> 211

sequences listing.txt

<211> 21

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 211

tcaaattttc actggcctat t

21

<210> 212

<211> 17

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 212

tgcccttataa ttcaa

17

<210> 213

<211> 25

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 213

acactacacg tctgatacca taaca

25

<210> 214

<211> 17

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 214

ctatttgcag tcatagc

17

<210> 215

<211> 17

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

sequences listing.txt

<400> 215
ggatcctaca ctttcct

17

<210> 216

<211> 22

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 216
atgcctcata gtacaaatcc tc

22

<210> 217

<211> 21

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 217
aaacattggg atcatcctac t

21

<210> 218

<211> 17

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 218
ttcctccatg tgggacg

17

<210> 219

<211> 16

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 219
gtagcctca tagtac
<210> 220

16

<211> 19

<212> DNA

sequences listing.txt

<213> salvelinus alpinus

<400> 220

tcatccggaa tatccacgc

19

<210> 221

<211> 22

<212> DNA

<213> salvelinus alpinus

<400> 221

tggagtagta ttactacttc ta

22

<210> 222

<211> 23

<212> DNA

<213> salvelinus alpinus

<400> 222

ggcctatggtt tggccaccca aat

23

<210> 223

<211> 23

<212> DNA

<213> salvelinus alpinus

<400> 223

tacttctaac tataatgact gcc

23

<210> 224

<211> 16

<212> DNA

<213> salvelinus alpinus

<400> 224

ttggttcact cttagg

16

sequences listing.txt

<210> 225

<211> 18

<212> DNA

<213> Salvelinus alpinus

<400> 225

ttttcctctg tgtgccat

18

<210> 226

<211> 21

<212> DNA

<213> Salvelinus alpinus

<400> 226

cctctgtgtg ccatatctgc c

21

<210> 227

<211> 16

<212> DNA

<213> Salvelinus fontinalis

<400> 227

tattattact tctcac

16

<210> 228

<211> 25

<212> DNA

<213> Salvelinus fontinalis

<400> 228

tattgggta gtattattac ttctc

25

<210> 229

<211> 19

<212> DNA

<213> Salvelinus fontinalis

sequences listing.txt

<400> 229
tctgtatgcc acatttgtc 19

<210> 230

<211> 20

<212> DNA

<213> Salvelinus fontinalis

<400> 230
ctcactataa tgacagcttt 20

<210> 231

<211> 23

<212> DNA

<213> Salvelinus fontinalis

<400> 231
tccgatattt cgacagcttt ttc 23

<210> 232

<211> 20

<212> DNA

<213> salvelinus fontinalis

<400> 232
atttatatgc atatcgcccg 20

<210> 233

<211> 26

<212> DNA

<213> amorce sequence CDL

<400> 233
ccatccaaca tctcagcatg atgaaa 26
<210> 234

sequences listing.txt

<211> 58

<212> DNA

<213> amorce sequence CBHT7

<400> 234

gaaattaata cgactcacta tagggagacc acaccctca gaatgatatt tgcctca 58

<210> 235

<211> 14

<212> DNA

<213> Bos taurus

<400> 235

gacacaacaa cagc 14

<210> 236

<211> 14

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 236

tccctagcct tctc 14

<210> 237

<211> 14

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 237

acacttgccg gaac 14

<210> 238

<211> 14

<212> DNA

<213> Bos taurus

sequences listing.txt

<400> 238
atagccacag catt 14

<210> 239

<211> 14

<212> DNA

<213> Gadus morhua

<400> 239
ataataacct cttt 14

<210> 240

<211> 20

<212> DNA

<213> amorce sequence CBL 20

<400> 240
gacctcccag ccccatcaaa 20

<210> 241

<211> 53

<212> DNA

<213> amorce séquence CBHT7 20

<400> 241
gaaattaata cgactcacta tagggagacc acacagaatg atatttgtcc tca 53

<210> 241

<211> 23

<212> DNA

<213> Anguilla rostrata

<400> 242
tgcctataacc ttcacattgc ccg 23

<210> 243

<211> 17

sequences listing.txt

<212> DNA

<213> Auxis thazard

<400> 243

attggcgtag ttcttct

17

<210> 244

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 244

ggcctgttcc tcgcaat

17

<210> 245

<211> 19

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 245

tttgattta ctcacacat

19

<210> 246

<211> 32

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 246

aacattggtg tagtacttct actcctagta at

32

<210> 247

<211> 25

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 247

acttctactc ctagtaatga taacc

25

<210> 248

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> Gadus ogac et Gadus macrocephalus

<400> 248

catgctaacg gtgcctc

17

<210> 249

<211> 26

<212> DNA

<213> Gadus ogac et Gadus macrocephalus

<400> 249

tttttatttg tctctatata catatt

26

<210> 250

<211> 30

<212> DNA

<213> Gadus ogac et Gadus macrocephalus

<400> 250

tatttgctc tatatacata ttgcccgagg

30

<210> 251

<211> 17

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 251

tcctctgtta ctcacat

17

<210> 252

<211> 17

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 252

cgagacgtca attatgg

17

sequences listing.txt

<210> 253

<211> 25

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 253

gacacctta ttacagtaa tagct

25

<210> 254

<211> 34

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 254

aatattggag tgacacctt attacagta atag

34

<210> 255

<211> 29

<212> DNA

<213> Salmo trutta et Salmo trutta fario

<400> 255

aatatcggag tcgtactgct acttctcac

29

<210> 256

<211> 17

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 256

taggcctatg tctagcc

17

<210> 257

<211> 19

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 257

gatgttagct atggctgac

19

<210> 258

<211> 20

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 258

ctcatccgta acattcacgc

20

<210> 259

<211> 22

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 259

gagttgtact tctacttctc ac

22

<210> 260

<211> 26

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 260

tttattatgg ttcctatcta tataaa

26

<210> 261

<211> 23

<212> DNA

<213> Thunnus thynnus

<400> 261

cttatttctc agatccttac agg

23

<210> 262

<211> 15

<212> DNA

<213> Bos taurus

sequences listing.txt

<400> 262
ctaatacctac aaatc

15

<210> 263

<211> 15

<212> DNA

<213> Bos taurus

<400> 263
agcttcaatg ttttt

15

<210> 264

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 264
cggcctacta ctagc

15

<210> 265

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 265
cacatcccta gcctt

15

<210> 266

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 266
gccacactt gccgg

15

<210> 267

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

sequences listing.txt

<400> 267
ttgccggaac gtaca

15

<210> 268

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 268
gaacgtacaa tacgg

15

<210> 269

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 269
tgaaacacag gagta

15

<210> 270

<211> 15

<212> DNA

<213> Gadus morhua

<400> 270
tcagacatcg agaca

15

<210> 271

<211> 15

<212> DNA

<213> Gadus morhua

<400> 271
gtaataataa cctct

15

<210> 272

<211> 18

<212> DNA

sequences listing.txt

<213> amorce

<220>

<221> misc_feature

<222> (4)

<223> n est I

<400> 272

agangcnccg tttgcgtg

18

<210> 273

<211> 20

<212> DNA

<213> amorce

<220>

<221> misc_feature

<222> (16)

<223> n est I

<400> 273

ttcttcttta tctgtntcta

20

<210> 274

<211> 15

<212> DNA

<213> amorce

<220>

<221> misc_feature

<222> (4)

<223> N EST I

<400> 274

rtcncgrcar atgtg

15

<210> 275

<211> 23

<212> DNA

<213> amorce

<220>

<221> misc_feature

sequences listing.txt

<222> (3)
<223> N est I

<220>
<221> misc_feature
<222> (12)
<223> N est I

<220>
<221> misc_feature
<222> (18)
<223> N est I

<400> 275
gtnaaytwyg gntgactnat ccg

23

<210> 276

<211> 20

<212> DNA

<213> amorce

<400> 276
cagaatgata tttgtcctca

20